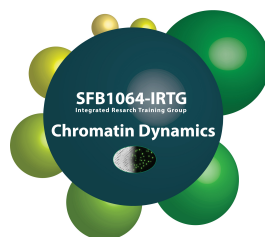


# **RIPPLE EFFECT**

**IRTG 1064 RETREAT ON LAKE CONSTANCE**

**2015**





## 2015 IRTG MINI-SYMPOSIUM ON THE LAKE

### **RIPPLE EFFECT** **IRTG 1064 RETREAT ON LAKE CONSTANCE**

**PROGRAM:** October 19-21 Don-Bosco-Haus, Friedrichshafen

	Monday, Oct 19	Tuesday, Oct 20	Wednesday, Oct 21
8:30	Meet at Gene Center, Butenandtstr. 5	breakfast	breakfast
9:00	Travel to Don-Bosco-Haus, Friedrichshafen	Morning symposium sessions	Morning symposium sessions Feedback
12:00	Lunch: 3 course buffet		
	Free time to explore area	Cycling (tba)	<b>Depart 14:00</b>
15:30 Coffee			
16:00	IRTG meeting: reports, input, retreat goals, make discussion guidelines Ice-breaker!		
18:00	Dinner	Barbecue	
20:00	Evening symposium sessions	Pub quiz and bonfire get-together	

## 2015 IRTG MINI-SYMPOSIUM ON THE LAKE

<b>GROUP 1</b>	<b>GROUP 2</b>
Alessandro Angerilli	Mehera Emrich
Kenneth Börner	Paula Georgescu
Andrea Cosolo	Lisa Harpprecht
Tim Decker	Marco La Fortezza
Thomas Gerland	Daniil Pokrovsky
Nadine Harrer	Sandra Schneller
Stephanie Link	Lisa Schuster
Martina Peritore	Nilay Shah
Alessio Renna	Ashish Kumar Singh
Sarah Schunter	Martha Smets
Hari Raj Singh	Flavia Söllner
Maria Walker	Ramona Spitzer
Zeyang Wang	Andrea Storti
Lisa Zink	Moritz Völker-Albert

## 2015 IRTG MINI-SYMPOSIUM ON THE LAKE

### MONDAY EVENING, OCT 19

Group 1	20:00-20:20	Maria Walker	<b>Towards in vitro reconstitution of genome-wide nucleosome positioning for <i>S. pombe</i> with CHD1 chromatin remodelers</b> <i>in vitro</i> reconstitution, nucleosome positioning mechanisms, MNase-seq, chromatin remodelers, <i>S. pombe</i>
	20:20-20:40	Hari Singh	<b>Poly-ADP ribose binding activates a human oncogenic chromatin remodeler ALC1</b> Poly-ADP-ribosylation, ALC1, Chromatin remodeler, DNA damage, allosteric mechanism
	20:40-21:00	Nadine Harrer	<b>The structural architecture of ISWI-type chromatin remodelers determined by cross-linking and mass spectrometry</b> chromatin, remodeling enzyme, SNF2, cross-linking/mass spectrometry, computational docking
	break		
	21:20-21:40	Alessio Renna	<b>Dissecting the <i>Drosophila</i> Core Promoter</b> Transcriptional Regulation, core promoter features, PIC, ChIP-seq, MNase
	21:40-22:00	Andrea Cosolo	<b>Cell cycle alterations in cellular stress response</b> Cell cycle, tissue stress, JNK, compensatory proliferation, <i>Drosophila</i>

Group 2	20:00-20:20	Marco LaFortezza	tba
	20:20-20:40	Paula Georgescu	<b>Testing a model for spatial regulation of heterochromatin through sequestering a HAT complex to specific chromatin sites</b> Pdp3, PWWP domain, silencing defect, ChIP, telomeres
	20:40-21:00	Lisa Schuster	<b>New pathways of regulating ISWI-type remodelers</b> Chromatin remodeling, ISWI, recruitment, cryptic transcription, PTM
	break		
	21:20-21:40	Martha Smets	<b>Binders of modified cytosines and their influence on differentiation</b> UHRF protein family, neuronal differentiation, oxidation of 5 mC, RNA sequencing, CpG-poor promoters
	21:40-22:00	Andrea Storti	<b>Characterizing signal transduction-mediated transcriptional networks in <i>Drosophila</i> larval development</b> accessibility, transcription factors, <i>Drosophila</i> , signaling pathways, sequencing

## 2015 IRTG MINI-SYMPOSIUM ON THE LAKE

### TUESDAY MORNING, OCT 20

Group 1	9:00-9:20	Sarah Schunter	<b>MOF ubiquitylation- a function in Drosophila Dosage Compensation?</b> Drosophila, dosis compensation, ubiquitylation, MassSpec, <i>in vivo</i> vs. <i>in vitro</i>
	9:20-9:40	Alessandro Angerilli	<b>The role of Suv420h enzymes in neural development</b> chromatin, differentiation, embryos, CRISPR/Cas, neuroectoderm
	9:40-10:00	Tim Decker	<b>The role of the Brd4-Cdk9 interaction in oncogene activation</b> Transcription, Promoter-Proximal Pausing, Brd4, Cdk9, Small Molecule Inhibitors
	break		
	10:20-10:40	Stephanie Link	<b>Regulation of chromatin structure by dynamic posttranslational modifications</b>  Ubiquitination, targets, phosphorylation, release, ChIP
	10:40-11:00	Zeyang Wang	<b>Epigenetic regulation of lineage decisions for endoderm commitment</b> endoderm differentiation, transcription network, ChIP-seq, Crispr knock-in

Group 2	9:00-9:20	Lisa Harpprecht	<b>In vitro Chromatin Assembly as a Tool to Study H2A.V at DNA Double Strand Breaks</b> histone variant, chromatin assembly, DNA double strand breaks, chromatin remodeler and gamma phosphorylation
	9:20-9:40	Nilay Shah	<b>Genetic and Functional Analysis of Tyrosine residues in the carboxy-terminal domain of mammalian RNA polymerase II</b> RNA polymerase II, transcription, Genome-Wide analysis, 3' end read through
	9:40-10:00	Flavia Söllner	<b>Role of the HDAC9 protein on the cellular proteome and acetylome</b> HDAC9, large-vessel stroke, ChIP-seq, acetylome, transcriptome
	break		
	10:20-10:40	Daniil Pokrovsky	<b>Regulatory mechanisms underlying chromatin maturation</b> chromatin maturation, <i>Xenopus laevis</i> , cell cycle
	10:40-11:00	Moritz Völker-Albert	<b>The Kinetics of Chromatin Assembly</b> DNA replication, proteomics, mass spectrometry, proteasome, <i>in vitro</i>

## 2015 IRTG MINI-SYMPOSIUM ON THE LAKE

### WEDNESDAY MORNING, OCT 21

Group 1	9:00-9:20	Thomas Gerland	<b>Putting New Tokens in the Game of Evolution</b> evolution, speciation, heterochromatin, ChIP, CRISPR/cas
	9:20-9:40	Lisa Zink	<b>Deposition of Histone H3 variants</b> human - Histone H3 variants - deposition - chaperones - DAXX/ATRX
	9:40-10:00	Martina Peritore	<b>Tumor cell plasticity: an insight from <i>in vitro</i> transformed cell lines</b> cancer stem cells, tumorspheres, c-Myc, miR-34a; JAZF
	break		
	10:20-10:40	Kenneth Börner	<b>Cell type-specific analysis of chromatin remodeling factors in <i>Drosophila</i> oogenesis</b> chromatin remodeling factor, histone variants; <i>Drosophila</i> oogenesis, cell-type specific RNAi, Confocal Laser Scanning microscopy

Group 2	9:00-9:20	Sandra Schneller	<b>Having a closer look at the DNA binding of INO80</b> Ino80, Nhp10, HMG-box, nanobody, cryoEM
	9:20-9:40	Mehera Emrich	tba
	9:40-10:00	Ramona Spitzer	<b>Analysis of the new H2A.Z interactor PWWP2A and its interaction properties</b> PWWP domain, DNA interaction, Peptide binding, H2A.Z
	break		
	10:20-10:40	Ashish Singh	<b>Role of different domains in ISW1 catalytic activity <i>in vivo</i></b> Remodeling, catalytic domains, <i>Saccharomyces cerevisiae</i> , growth phenotypes, nucleosome positioning

11:00-12:00	Get together	Feedback and outlook
-------------	--------------	----------------------

# **2015 IRTG MINI-SYMPOSIUM ON THE LAKE**

## **NOTES**

**2015 IRTG MINI-SYMPOSIUM ON THE LAKE**

**MORE NOTES**



- 1 Uferpromenade**  
Route: Hafenbahnhof → Graf-Zeppelin-Haus  
Weglänge: 1 km  
Ausgangs- und Endpunkt: Hafenbahnhof und Stadtbahnhof (Bahnsation und Bushaltestelle)
- 2 Historischer Stadtrundgang**  
Route: Hafenbahnhof → Adenauerplatz → Uferpromenade → Schlosskirche → Alter Friedhof → Stadtbahnhof  
Weglänge/Gehzeit: 3,5 km/1 Stunde  
Ausgangspunkt: Hafenbahnhof (Bahnsation und Bushaltestelle)  
Endpunkt: Stadtbahnhof (Bahnsation und Bushaltestelle)
- 3 Königsweg**  
Route: Stadtbahnhof → Schloss → Strandbad → Seemoos → Manzell → Fischbach  
Weglänge/Gehzeit: 6,5 km/1,5 Stunden  
Ausgangspunkt: Stadtbahnhof (Bahnsation und Bushaltestelle)  
Endpunkt: Bushaltestelle der RAB-Seelinie „Fischbach, West“ (7935)
- 4 Eriskircher Riedweg**  
Route: Hafenbahnhof → Rotachmündung → Eriskircher Ried → Schussen → Eriskirch → Naturschutzzentrum  
Weglänge/Gehzeit: 8 km/2 Stunden  
Ausgangspunkt: Hafenbahnhof (Bahnsation und Bushaltestelle)  
Endpunkt: Naturschutzzentrum im Bahnhof Eriskirch (Rückfahrt mit der Bahn) oder Rückkehr zu Fuß
- 5 Rundweg Fischbacher Senke**  
Route: Fischbach → Eichennühle → Kluftern → Höge → Fischbach  
Weglänge/Gehzeit: 6,5 km/1,5 - 2 Stunden  
Ausgangs- und Endpunkt: Fischbach, RAB-Bushaltestelle „Fischbach, West“ der Seelinie (7935)
- 6 Klufturner Panoramaweg**  
Route: Ortsmitte Kluftern → Lettenhof → nördlich und östlich um Efrizweiler herum nach Riederern → Eichennühle → Kluftern  
Weglänge/Gehzeit: 7,5 km/2 Stunden  
Ausgangs- und Endpunkt: Kluftern, Stadtbushaltestelle „Kluftern, Rathaus“ (Linien 11 und 12)
- 7 Buchschachweg**  
Route: Windhag → Schnetzenhausen → Riederern → Spaltenstein → Städtisches Krankenhaus → Stockerholz → Windhag  
Weglänge/Gehzeit: 9 km/2,5 Stunden  
Ausgangs- und Endpunkt: Windhag, Stadtbushaltestelle „Glärnischstraße“ (Linien 4, 5 und 15)
- 8 Schnetzenhauser Riedweg**  
Route: Schnetzenhausen → Rupberg → Mülldeponie → Naturlehrpfad → Schnetzenhausen  
Weglänge/Gehzeit: 8 km/2 Stunden  
Ausgangs- und Endpunkt: Schnetzenhausen, Stadtbushaltestelle „Schnetzenhausen, Kirche“ (Linien 4, 11 und 15)
- 9 Rundweg Hepbacher-Leimbacher Ried**  
Route: Von Raderach nach Norden zum Naturschutzgebiet Hepbacher-Leimbacher Ried → Umrundung gegen den Uhrzeigersinn → Raderach  
Weglänge/Gehzeit: 10 km/2,5 Stunden  
Ausgangs- und Endpunkt: Raderach, Stadtbushaltestelle „Raderach“ (Linie 12)
- 10 Teuringental-Bahnweg**  
Route: Berg → Weg Richtung Jettenhausen → ehemalige Bahntrasse nach Norden, vorbei am Kappelhof bis Unterteuringen → Weihermühle → Berg  
Weglänge/Gehzeit: 11 km/3 Stunden  
Ausgangs- und Endpunkt: Berg, Stadtbushaltestelle „Berg, Altenheim St. Martin“ (Linien 12 und 16)
- 11 Königin-Olga-Weg**  
Route: Stadtbahnhof → Riedlewald → Zeppelindorf → Jettenhausen → Berg  
Weglänge/Gehzeit: 4,3 km/1 Stunde  
Ausgangspunkt: Stadtbahnhof (Bahnsation und Bushaltestelle)  
Endpunkt: Stadtbushaltestelle „Berg, Altenheim St. Martin“ (Linien 12 und 16)
- 12 Rotachweg**  
Route: Oberteuringen → Rammethshofen → Weiermühle → Ittenhausen → Bunkhofen → Meistershofen → Löwental → Rotachmündung  
Weglänge/Gehzeit: 11 km/3 Stunden  
Ausgangspunkt: Stadtbushaltestelle „Oberteuringen, Kirche“ (Linie 14)  
Endpunkt: Rotachmündung in den Bodensee (10 Minuten Fußweg zum Hafenbahnhof, das erste Teilstück des Weges 4)
- 13 Ailingen Panoramaweg**  
Route: Ailingen → Ittenhausen → Rotachtal → Weiermühle → Lottenweiler → Horach → Haldenberg → Ailingen  
Weglänge/Gehzeit: 9,5 km/2,5 Stunden  
Ausgangs- und Endpunkt: Ailingen, Stadtbushaltestellen „Ailingen, Rathaus“ (Linien 13, 14, 15) und „Ailingen, Ittenhauser Straße“ (Linie 12)
- 14 Ettenkircher Höhenweg**  
Route: Ettenkirch → Bettenweiler → Lempfriedsweiler → Naturschutzgebiet Altweierwiese → Krehenberg → Wirgetswiesen → Ettenkirch  
Weglänge/Gehzeit: 10,5 km/2,5 Stunden  
Ausgangs- und Endpunkt: Ettenkirch, Stadtbushaltestelle „Ettenkirch“ (Linie 13)
- 15 Hirschlatler Runde**  
Route: Ailingen → Hagendorf → Dornacher Wald → Hirschlatt → Ettenkirch → Lindenholz → Haldenberg → Ailingen  
Weglänge/Gehzeit: 11,5 km/3 Stunden  
Ausgangs- und Endpunkt: Stadtbushaltestellen „Ailingen, Rathaus“ (Linien 13, 14, 15) und „Ailingen, Ittenhauser Straße“ (Linie 12)
- 16 Appenweiler Runde**  
Route: Ettenkirch → Wannenhäusern → Brochenzeller Wald → Hinterhof → Appenweiler → Ettenkirch  
Weglänge/Gehzeit: 9,5 km/2,5 Stunden  
Ausgangs- und Endpunkt: Ettenkirch, Stadtbushaltestelle „Ettenkirch“ (Linie 13)
- 17 Seewaldweg**  
Route: St. Georgen → Seewald → Schoppenhof → Oberbaumgarten → Seewald → St. Georgen  
Weglänge/Gehzeit: 6,5 km/1,5 Stunden  
Ausgangs- und Endpunkt: Stadtbushaltestelle „Am Seewald“ (Linie 6)



Grundlage: Topographische Karte 1:50.000  
 Ausschnitt aus Blatt L8322  
 Landesvermessungsamt Baden-Württemberg  
 www.lvbw.de, 27.02.2003, Az.: 2851.2-D/2106

➤ Aussichtspunkt

Mittelwasserstand 395,5 m über Normalnull (NN)